

AES-P.65

AISLAMIENTO E IDENTIFICACIÓN DE HONGOS FITOPATÓGENOS QUE AFECTAN EL CULTIVO DE LA SOYA.

*Natacha Soto*¹, *Yamira Quintero*¹, *Odet Céspedes*¹, *Yuniet Hernández*², *Laura Valencia*¹, *Celia Delgado*¹, *Liuver Sedeño*², *Alexis Lamz*², *Rodbaldo Ortiz*² y *Gil A. Enríquez*¹

¹Centro de Ingeniería Genética y Biotecnología (CIGB), Cuba

²Instituto Nacional de Ciencias Agrícolas (INCA), Cuba

email: natacha.soto@cigb.edu.cu

RESUMEN. El incremento del cultivo de soya en Cuba ha traído como consecuencia una mayor presencia de enfermedades que afectan su rendimiento. Las principales enfermedades fúngicas que afectan a la soya son las de Fin de Ciclo, éstas afectan hojas y tallos generando defoliación, reducen el área disponible para la fotosíntesis y afectan la calidad de los granos. Plantas de soya de las variedades Incasoy-36 y DT-84 sembradas en invernadero del CIGB y en un área experimental del INCA, presentaron síntomas semejantes a los descritos en la literatura para los géneros *Fusarium* y *Colletotrichum*. Por la importancia que tienen estos hongos para la soya y el interés de aislarlo para realizar bioensayos de resistencia *in vitro* con plantas transformadas, se hicieron cámaras húmedas a 22-28 °C con tejido dañado y se procedió a la identificación de los hongos mediante observaciones microscópicas. Se realizó la extracción de ADN del hongo a partir del micelio cultivado en PDA por siete días, mediante el protocolo CTAB modificado. El ADN ribosomal de los hongos se amplificó por PCR utilizando oligos universales (ITS1, ITS4 e ITS5) y oligos específicos (Colg 1, Colg 2 y CT 2). Los productos de PCR purificados y secuenciados fueron comparados con las bases de datos de nucleótidos Blast N y Fusarium DataBase, para la identificación molecular de los hongos. Se evaluó la afectación causada por estos patógenos en campo, donde la variedad DT-84 mostró una mayor susceptibilidad a la *Antracnosis* de la soya.