

MCF-O.13

CARACTERIZACIÓN MOLECULAR Y MORFOAGRONÓMICA DE 50 ACCESIONES CUBANAS DE YUCA (*Manihot esculenta* Crantz).

Yoel Beovides García¹, Novisel Veitía², Marilys Milián¹, Osmany Molina¹, Daniel Rodríguez¹, Katia Rodríguez¹, Aymé Rayas¹, Milagros Basaíl¹, Arletys Santos¹, Jorge López¹ y Victor Medero¹

¹Instituto de Investigaciones de Viandas Tropicales (INIVIT), Cuba

²Instituto Nacional de Ciencias Agrícolas (INCA), Cuba

email: biomol.biotec@inivit.cu

RESUMEN. La yuca (*Manihot esculenta* Crantz) es una fuente importante de alimentos en muchos países tropicales de Asia, África y América. En Cuba se prevé sea una fuente alternativa en la exportación de productos no tradicionales (almidón) a partir de la identificación de cultivares con mayor potencial agroindustrial. El presente trabajo tuvo como objetivo caracterizar mediante descriptores morfológicos, agronómicos y moleculares 50 accesiones cubanas pertenecientes al amplio germoplasma que se conserva en el Instituto de Investigaciones de Viandas Tropicales. Se utilizaron 25 descriptores cualitativos, 14 cuantitativos y 34 marcadores microsátélites (SSR). La caracterización morfoagronómica permitió identificar un 82 % de accesiones con la pulpa de la raíz de color crema o amarilla; el cultivar 'Cayo Bejuco' mostró el color amarillo más intenso (carotenos). Las accesiones 'CPA Victoria de Girón' (39,4 t.ha⁻¹) y 'Crema-1' (34,0 t.ha⁻¹) tienen excelentes cualidades para el consumo humano, mientras que, 'Yema de Huevo' (45,84 % de materia seca (MS)) y 'Clon-14' (43,98 % MS) con buenos rendimientos agrícolas podrían emplearse en la agroindustria. Los 34 SSR utilizados fueron polimórficos, útiles para los estudios de diversidad genética, mostraron un promedio 5,8 alelos y el 100 % de ellos fueron polimórficos. La heterocigosidad promedio observada (H_o) fue alta (0,6016). La diferenciación genética fue también alta y se observó la aparición de alelos únicos con muy baja frecuencia de aparición en la colección de trabajo. La combinación de los estudios morfoagronómicos y moleculares permitió obtener información de utilidad para el mejoramiento del cultivo y para promover la incorporación de accesiones del germoplasma conservado en la ampliación de estrategia clonal vigente en Cuba.