

## MCF-P.32

### METODOLOGÍA EFICIENTE PARA LA EXTRACCIÓN DE ADN GENÓMICO A PARTIR DE HOJAS DE FRESA.

*Argelys Kessel Domini<sup>1</sup>, Luis Alberto Valdes Silverio<sup>2</sup>, María Margarita Hernández Espinosa<sup>1</sup>, Yuniet Hernández Avera<sup>1</sup> y Georvis Téllez Beltrán<sup>1</sup>*

<sup>1</sup>Instituto Nacional de Ciencias Agrícolas (INCA), Cuba

<sup>2</sup>Instituto de investigaciones en Fruticultura Tropical y Subtropical (IIFT), Cuba

*email:* argelys@inca.edu.cu

**RESUMEN.** En frutales como la fresa (*Fragaria ananassa* Duch), el aislamiento del ADN genómico con suficiente calidad para ser usado en análisis de marcadores moleculares basados en PCR, posee en muchas ocasiones serios problemas por la presencia de inhibidores, tales como los polisacáridos que inhiben el procesamiento enzimático del ADN o los polifenoles que inhiben las reacciones de la PCR. Se probaron dos protocolos de extracción y purificación de ADN en diferentes cultivares de fresa, el protocolo CTAB, con modificaciones, en combinación con el juego de reactivos Núcleo Spin permitió la obtención de un ADN altamente concentrado para los diferentes cultivares evaluados y posteriormente aplicar la Técnica de Repetición de Secuencias Inversas Marcadas (ISTR) para evaluar el polimorfismo molecular. Los resultados mostraron que este es un método confiable para el aislamiento de ADN de frutales tropicales que sean ricos en polisacáridos, taninos y polifenoles.