

# INTERFAZ EN R PARA FACILITAR LA APLICACIÓN DE LAS TÉCNICAS DE TAXONOMÍA NUMÉRICA EN EL GERMOPLASMA DEL INIVIT

Raisa Leslie García Rodríguez<sup>1</sup>, Robersy Sánchez Rodríguez<sup>2</sup>, Osmany Molina Concepción<sup>1</sup>, Carmen Caridad Pons Pérez<sup>1</sup>, y Ramón Esteban Pérez Hernández<sup>1</sup>

1. *Instituto de Investigaciones de Viandas Tropicales, Cuba* [raisa@inivit.cu](mailto:raisa@inivit.cu)
2. *Universidad Central "Marta Abreu" de Las Villas, Cuba*

El análisis multivariado se refiere a todos aquellos métodos estadísticos que analizan simultáneamente medidas múltiples de cada individuo. Para los análisis de datos resultantes de la caracterización de los recursos genéticos en las colecciones de germoplasma, los métodos multivariados se pueden clasificar en dos grandes grupos: de ordenación y clasificación. El objetivo de este trabajo consiste en programar algoritmos de análisis multivariados para la taxonomía numérica que le permitan al usuario obtener e interpretar sus resultados. Para esto se utilizó el lenguaje y entorno de programación para análisis estadístico y gráfico *R*, que se distribuye gratuitamente bajo los términos de la *GNU (General Public Licence)*. También se empleó el TLC "*Tool Command Language*", lenguaje de programación con intérprete muy potente, que junto a una herramienta para la creación de elementos gráficos en entorno *Windows*, TK "*Tool Kit*", se utiliza principalmente para el desarrollo de interfaces de usuario. Estas herramientas en su versión para el lenguaje *R* lo conforma el paquete *tcltk*. Como resultado se obtuvo una interfaz amigable, dirigida a usuarios que no poseen un alto nivel de conocimientos estadísticos e informáticos, que facilita la extracción de información útil a partir de los datos que se poseen. Además, permite interpretar adecuadamente los resultados obtenidos y hacer un uso más eficiente de los recursos fitogenéticos, ya que constituye una herramienta eficaz en manos de mejoradores y curadores encargados de la conservación del germoplasma.

**Palabras clave:** Germoplasma, programación en lenguaje *R*, taxonomía numérica.